

# Cycle "Bioinformatique par la pratique" 2016

---

## Informatique

### Analyse de génomes

### Analyse de textes

---

### Informatique

---

- Initiation à Linux
- Perl : Initiation & Avancé
- Initiation à R
- Initiation à l'utilisation de Galaxy
- Python : Initiation & Avancé

### Analyse de génomes : exploration, comparaison, évolution...

---

- Données NGS : alignement et assemblage
- Annotation de génomes microbiens
- Traitement bioinformatique des données RNA-Seq
- Analyse statistique de données RNA-Seq
- Modélisation 3D de protéines
- Analyse de données métagénomiques 16S (*--Nouveau--*)

### Analyse de corpus de textes

---

- Annotation de textes scientifiques pour constituer une base de métadonnées

### Contacts & Informations

---

[veronique.martin@jouy.inra.fr](mailto:veronique.martin@jouy.inra.fr) Tél. : 013465 2974  
[formation.migale@jouy.inra.fr](mailto:formation.migale@jouy.inra.fr)  
<http://migale.jouy.inra.fr/?q=fr/formations>