

# Cycle "Bioinformatique par la pratique" 2017

## Module 21 : Traitement bioinformatique des données RNA-Seq

### Objectifs

eucaryote et procaryote.

-Seq

### Programme

#### Théorie

- Séquençage NGS et RNA-Seq, présentation des différents types de séquenceurs
- RNA-Seq
- Reconstruction de transcrits
- Assemblage de novo de transcriptomes
- Quantification

#### Pratique

- TP sur des données de type eucaryote
- Contrôle qualité
- Nettoyage des données
- Alignement sur un génome de référence et épissage
- Découverte de nouveaux transcrits
- Obtention

### Lien avec d'autres modules

L'analyse statistique des résultats d'analyses bioinformatiques effectuées dans ce module est traitée dans le module 16 [Stats & RNA-seq].

### Pré requis – Pratique avancée de la ligne de commande

Dates & Horaires	Durée	Intervenants	Tarifs
3 et 4 mai 2017 9H30 ~ 17h00	2 jours	Valentin Loux Cyprien Guérin	225 euros HT (INRA) 250 euros HT (hors INRA)

### Modalités pédagogiques

Théorie : 20% - Pratique : 80% - 10 stagiaires par session - informatique dédié.

### Modalités de paiement

Uniquement par bon de commande

### Conditions d'annulation

**19 avril 2017**, le paiement sera dû.

### Contacts

veronique.martin@jouy.inra.fr    Tél. : 0134652974  
formation.migale@jouy.inra.fr  
<http://migale.jouy.inra.fr/?q=fr/formations>