

Cycle "Bioinformatique par la pratique" 2018

Module 22 - Détection et analyse de variants génomiques

Objectifs pédagogiques

A l'issue de la formation, les stagiaires connaîtront les différentes étapes à enchaîner pour obtenir une liste de variants génomiques par rapport à un génome de référence, à partir de données de séquençage Illumina. Ils auront lancé via Galaxy les outils choisis sur un jeu de données préparé pour cette formation. Ils connaîtront également les différents types d'informations stockées dans les fichiers FASTQ, SAM, BAM et VCF et seront capables de les manipuler.

Programme prévisionnel (peut évoluer à la marge selon les attentes du groupe)

- Mapping (BWA)
- Recherche de variants (GATK)
- Annotation de variants (SNPeff, SNPsift)
- Visualisation (IGV)

Pré requis – Avoir suivi le module 8bis (NGS sous Galaxy)

Dates & Horaires	Durée	Intervenants	Tarifs
17 mai 2018 9H00 ~ 17h00	1 jour	Olivier Rué Olivier Inizan	175 euros HT (INRA) 195 euros HT (hors INRA)

Modalités pédagogiques

Théorie : 50% - Pratique : 50% - 10 stagiaires par session - Chaque stagiaire disposera d'un poste informatique dédié.

Modalités de paiement

Uniquement par bon de commande

Conditions d'annulation

En l'absence d'annulation par mail avant le **3 mai 2018**, le paiement sera dû.

Contacts

veronique.martin@inra.fr Tél. : 013465 2974
 formation.migale@inra.fr
<http://migale.jouy.inra.fr/?q=fr/formations>